

台灣海岸木賊葉木麻黃之核酸多型性遺傳變異

何坤益^{1*}

(投稿日期：94年11月25日；接受日期：95年2月8日)

摘要

本研究應用簡單重複序列 (ISSR) 分子指紋方法，取自台灣海岸地區木麻黃防風林15處共176株木麻黃樣本，使用了13個引子進行擴增反應產生82個條帶，用以探討海岸地區木麻黃族群遺傳變異關係。

族群之分子變方分析 (AMOVA) 結果發現：族群間變方成分是25.43% ($p < 0.001$)，族群內個體間的變方成分是74.57% ($p < 0.001$)，族群變異主要發生於族群內個體間。各族群以彰化芳苑 (T2) 與台中梧棲 (T3) 等地區具較高遺傳歧異度；利用非加權配對歸群分析方法 (簡稱UPGMA) 所得之族群歸群圖，顯示T2、T3族群形成一群團，並與其它主要族群所成之群團明顯分隔，其它地區之族群則形成一大群團，群團內並無地理分佈的關係。

關鍵詞：木賊葉木麻黃、簡單重複序列、核酸多型性、遺傳變異。

¹ 國立嘉義大學森林暨自然資源學系 助理教授 嘉義市600學府路300號

* 通訊作者